

## **علاقة مستوى الهاوموسستين الكلي و حمض الفوليك و فيتامين ب ١٢ بالمتغيرات الجينية لجين مياثايلين تتراهيدروفولات ريداكتين في سكان المملكة الأصحاء**

### **مقدمة من عيبر عبد الرحمن السفياني**

#### **مستخلص**

يقع جين ١٠-٥ مياثايلين تتراهيدروفوليت ريداكتين (MTHFR Gene) على الذراع القصيرة الكروموسوم رقم ١ عند الموقع ١.٣٦ . ويعتبر إنزيم ١٠-٥ مياثايلين تتراهيدروفوليت ريداكتين (MTHFR) هو الناتج الأساسي لهذا الجين حيث يلعب دوراً هاماً في أيض حمض الفوليك ، حيث يعمل على اختزال مركب ١٠-٥ مياثايلين تتراهيدروفوليت إلى مركب ٥-مياثايلين تتراهيدروفوليت (الصورة الرئيسية لحمض الفوليك في بلازما الدم ) الذي يعمل مع فيتامين ب ١٢ التحويل الحمض الأميني الهاوموسستين إلى الحمض الأميني الميثيونين. أي خلل جيني في جين MTHFR يؤدي إلى انخفاض في مستوى نشاط هذا الإنزيم ، خاصة الخل الناتج من استبدال القاعدة التي تروجينة السيتوسين (C) إلى القاعدة النيتروجينه الثيامين (T) عند النيوكلويد رقم ٦٧٧ (C677T) هذا التغيير الجيني يؤدي إلى حدوث خلل في أيض كلاً من حمض الفوليك و مركب الهاوموسستين مما يؤدي إلى زيادة تركيز الهاوموسستين وانخفاض مستوى حمض الفوليك في بلازما الدم. لذلك أجريت هذه الدراسة لدراسة مدى انتشار التغيير الجيني لجين MTHFR C677T بين سكان المملكة العربية السعودية الأصحاء وربط هذا التغيير مع مستوى بلازما حمض الفوليك و مستوى بلازما الهاوموسستين و مستوى فيتامين ب ١٢ .

تمت دراسة المتغيرات الجينية لجين MTHFR في ١٢٢ شخص صحي وقد تم إجراء هذه الدراسة على النيوكلويد رقم ٦٧٧ من هذا الجين بعد أن تم تعين مستوى بلازما حمض الفوليك، الهاوموسستين و فيتامين ب ١٢ مخبرياً. تم فصل الحمض النووي (DNA) من عينات الدم ثم تم قياس المادة الوراثية ثم بعد ذلك مضاعفته بواسطة التفاعل المبلمر المتسلسل (PCR) ومن ثم معالجته بإنزيم القص (HinfI). ثم التحليل عن طريق الهجرة الكهربائية مستخدمين طريقة Polyacrylamide Gel Electrophoresis

وقد أظهرت النتائج وجود تغيرات وراثية في جين MTHFR C677T، حيث وجدنا ١٩٪ من الأفراد الأصحاء كانوا مصابين وتركيبهم الوراثي لكلا الأليلين المسببة للا صابه (TT). أيضا في هذه الدراسة وجدنا أن نسبة التغير الوراثي لهذا الجين في الذكور (٢٣٪) أعلى من الإناث (١٥٪) وقد وجد أيضا أن هناك علاقة قوية بين التغير الجيني لجين MTHFR C677T وبين كل من انخفاض مستوى بلازما حمض الفوليك وارتفاع مستوى بلازما الهاوموسيسين. ولكن لم يكون هناك أي علاقة بين هذا التغير الجيني ومستوى فيتامين ب ١٢.

# **Total Homocysteine, Folate, Vitamin B<sub>12</sub> Levels, and their Relation to Methylenetetrahydrofolate Reductase Gene Polymorphism in Healthy Saudi Population**

**By**  
**Abeer Abdulrahman Alsofyani**

## **Abstract**

The 5,10-methylenetetrahydrofolate reductase (MTHFR) gene is located on chromosome 1 at 1p36.3. The enzyme 5,10-Methylenetetrahydrofolate reductase is a major product that plays a central role in the folate cycle and contributes to the metabolism of the amino acid homocysteine. It catalyzes the reduction of 5,10-methylenetetrahydrofolate to 5-methyltetrahydrofolate, thus generating the active form of folate required for remethylation of homocysteine to methionine. Genetic variations at the MTHFR gene locus may contribute to an increase in homocysteine level and decrease enzymatic activity. Also, low intake of both folate and vitamin B<sub>12</sub> can affect the remethylation or transsulfuration pathways in homocysteine metabolism.

The present study was designed to determine the prevalence of the MTHFR 677C>T polymorphism among healthy Saudi population (n=122) by using PCR-RFLP technique. It also analyzes the relationship between MTHFR C677T to plasma homocysteine, folate and vitamin B<sub>12</sub> levels.

Genotype analysis revealed that the relative frequency of homozygous variant (TT) in healthy Saudi individuals is 19%. The T allele frequencies for C677T polymorphism of MTHFR gene were different between males and females. Males were found to have higher T allele frequency (23%) than females (15%). The data from this study confirms that tHcy concentration is most pronounced in homozygous (TT) subjects with low folate concentration. conversely, vitamin B<sub>12</sub> was unaffected by genotype.

To the best of our knowledge, the present result is the first to evaluate in a genetically homogenous Saudi population the associations between homocysteine, folate, vitamin B<sub>12</sub> levels and C677T polymorphism.